

ONERBA-DIG - Enquête trans-réseau de l'ONERBA

en association avec le CNR des Campylobacters, le CNR des *E. coli*, *Shigella* et *Salmonella* et le CNR des yersinioses

Prévalence de la résistance aux antibiotiques chez les bactéries à tropisme digestif en France

ONERBA 2022-2023

<http://onerba.org/enquete-onerba-dig-2022/>

Contexte et Justification

La résistance aux antibiotiques est une problématique majeure de santé publique qui est listée dans les actions prioritaires de santé au niveau européen et national.

Les données concernant les bactéries à tropisme digestif (*Campylobacter*, *Salmonella*, *Shigella*, *Yersinia*) sont peu nombreuses en France et colligées par chacun des CNR dédiés.

En particulier, depuis 1999 les différents réseaux fédérés au sein de l'ONERBA n'ont pas inclus ces espèces bactériennes dans le panel surveillé « en routine » pour leur résistance aux antibiotiques. Une enquête rétrospective dédiée devrait permettre d'apporter des données transversales et harmonisées complétant les données existant actuellement sur la résistance en France pour chacune de ces espèces surveillées et les autres espèces.

Objectif

L'objectif principal du projet est de documenter la prévalence de la résistance aux antibiotiques dans ces espèces isolées de **tout type de prélèvement clinique** à visée diagnostique.

L'objectif secondaire est de documenter l'activité des laboratoires de microbiologie des réseaux de l'ONERBA consacrée à l'identification et à la surveillance de la résistance de ces espèces bactériennes.

Méthode

L'ONERBA en lien avec le CNR des Campylobacters et le CNR des *E.coli*, shigella et *Salmonella* va s'appuyer sur les laboratoires hospitaliers participant aux réseaux fédérés au sein de l'ONERBA (APHP, Azay-résistance, Col-BVH, Microbiologistes d'Ile-de-France, Microbiologistes du Nord-Pas-de-Calais, REUSSIR). Ce travail est également ouvert à d'autres réseaux avec l'aide de SPARES, Primo et Promise.

Chaque représentant des réseaux au sein du conseil scientifique sollicitera les laboratoires participants à son réseau pour réaliser cette étude.

Chaque laboratoire devra être capable « d'exporter » les données collectées en routine :

- En 2019, 2020, 2021 et 2022 sur
- la résistance aux antibiotiques des souches de ***Campylobacter*, *E. coli producteur de shigatoxine*, *Salmonella*, *Shigella*, *Yersinia***
- isolées de prélèvements à visée diagnostique

Pour chaque souche, le laboratoire devra être capable de **fournir les données suivantes** :

- Un identifiant patient anonyme (pour dédoublement)
- Age du patient

- Sexe du patient
- Type de prélèvement
- Date de prélèvement
- Service clinique, y compris urgences, HDJ, EHPAD etc ou VILLE
- Identification d'espèce
 - *Campylobacter jejuni, coli, fetus* ou autres
 - *Salmonella* spp et/ou avec le sérovar
 - *Shigella* spp ou *sonnei, dysenteriae, flexneri* ou *boydii*
 - *Yersinia* spp ou *enterocolitica* ou *psudotuberculosis*
- Présence ou non de BLSE ou carbapénémase
- Résistance à tous les antibiotiques testés en routine dans le laboratoire (S – I – R)
- Si possible Diamètre ou CMI (optionnel)

Chaque laboratoire aura pour tâche d'adresser un fichier exporté de son SGL sous forme compatible XL associé si nécessaire d'un thésaurus des types de prélèvement, des abréviations d'antibiotiques et éventuellement des abréviations des espèces bactériennes ;

Les pilotes de l'enquête se chargeront :

- du nettoyage
- du dédoublonnage
- de la fusion des fichiers
- de l'analyse

lien pour le dépôt des fichiers : <https://dropsu.sorbonne-universite.fr/s/FiDgrcmQszzBaeK>
bien nommer les fichiers comme suit – **laboratoire_ville_annee.xls**

<https://vu.fr/sdTH>



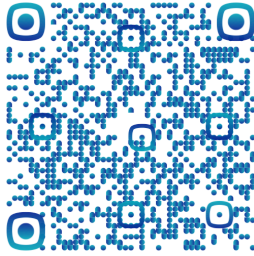
Il devra également répondre à un questionnaire en ligne sur les pratiques de laboratoire

- Adresse
- Nom du correspondant
- Référentiel antibiogramme utilisé pour chacune des 4 années
- Techniques utilisées
- Et dans la mesure du possible
 - Nombre de coproculture (hors *C. difficile*) réalisé chaque année de l'enquête
 - Nombre de test génétique syndromique digestif réalisé chaque année de l'enquête

Adresse du [questionnaire en ligne](#) :

https://docs.google.com/forms/d/e/1FAIpQLSfRkDqlFxctc5cj62W5MKZFcrBMr7_KqxiRC1hDcuPxTIPQGw/viewform?vc=0&c=0&w=1&flr=0

<https://vu.fr/jSLT>



Calendrier :

L'agenda sera le suivant :

- Dernier trimestre 2022/ Premier trimestre 2023 – recueil des données
- Premier semestre 2023
 - transcodage, fusion des fichiers, premières analyses
- Troisième trimestre 2023
 - Analyse définitive et rapport

Indicateurs :

Les indicateurs étudiés seront les suivants :

- Pourcentage de résistance à chaque antibiotique au sein de chaque espèce (S-I-R)
- Co-résistance

- Descriptif des méthodes diagnostiques

Financement :

- Aucun

Pilotes du projet :

S. Le Hello, Président de l'ONERBA, Caen

P. Lehours, CNR des Campylobacters et Hélicobacters, CNRCH, Bordeaux

FX. Weill, CNR des *Escherichia coli*, *Shigella* et *Salmonella*, Paris

AS. Le Guern, CNR de la peste et autres yersiniooses, Paris

Y. Péan, ONERBA, Paris

J. Robert, Conseil Scientifique de l'ONERBA, Paris

Et les responsables des réseaux